

(19)中华人民共和国国家知识产权局



(12)发明专利申请



(10)申请公布号 CN 107304432 A

(43)申请公布日 2017.10.31

(21)申请号 201610248592.8

(22)申请日 2016.04.20

(71)申请人 中国科学院生物物理研究所

地址 100101 北京市朝阳区大屯路15号中
国科学院生物物理研究所8号楼214房
间

(72)发明人 翟宇佳 孙飞

(74)专利代理机构 北京纪凯知识产权代理有限公司 11245

代理人 关畅 何叶喧

(51)Int.Cl.

C12N 15/62(2006.01)

C12N 15/866(2006.01)

C07K 19/00(2006.01)

权利要求书2页 说明书10页
序列表16页 附图3页

(54)发明名称

一种同时表达n个蛋白或蛋白亚基的方法及其专用系统

(57)摘要

本发明公开了一种同时表达n个目的物的方法及其专用系统。同时表达n个目的物的系统，包含DNA甲和DNA乙；n为2以上的自然数；目的物为蛋白或蛋白亚基或蛋白片段或多肽或多肽片段；所述DNA甲依次包括如下元件：启动子甲、融合基因甲、终止序列甲；所述DNA乙依次包括如下元件：启动子乙、融合基因乙、终止序列乙。实验证明，将编码人源COPI复合体的各个亚基的编码基因插入重组质粒pFBD-mCEG-COPI，转化受体菌获得重组杆状病毒穿梭载体，进一步转染昆虫细胞，可获得有活性的人源COPI复合体。因此，本发明所提供的同时表达n个目的物的系统在同时表达多个蛋白或蛋白亚基或多肽或多肽片段中具有重要的应用价值。

1. 一种同时表达n个目的物的系统,包含DNA甲和DNA乙;

所述DNA甲依次包括如下元件:启动子甲、融合基因甲、终止序列甲;所述融合基因甲中含有片段I;所述片段I包括m1个区段,每个区段编码一个所述目的物,每相邻两个区段之间具有一个以上特异区;所述特异区编码蛋白酶的酶识别序列;

所述DNA乙依次包括如下元件:启动子乙、融合基因乙、终止序列乙;所述融合基因乙中含有片段II;所述片段II包括m2个区段,每个区段编码一个所述目的物,每相邻两个区段之间具有一个以上所述特异区;融合基因乙中还含有编码所述蛋白酶的区段;所述编码所述蛋白酶的区段与所述片段II之间具有一个以上所述特异区;

所述目的物为蛋白或蛋白亚基或蛋白片段或多肽或多肽片段;

m1为2以上的自然数;m2为2以上的自然数;m1+m2=n。

2. 如权利要求1所述的系统,其特征在于:

所述融合基因甲中还含有一个编码荧光蛋白甲的区段,所述编码荧光蛋白甲的区段与所述片段I之间具有一个以上所述特异区;

所述融合基因乙中还含有一个编码荧光蛋白乙的区段,所述编码荧光蛋白乙的区段与所述片段II之间具有一个以上所述特异区。

3. 如权利要求1或2所述的系统,其特征在于:

所述融合基因甲依次包括:所述片段I、所述编码荧光蛋白甲的区段;

所述融合基因乙依次包括:所述编码所述蛋白酶的区段、所述片段II、所述编码荧光蛋白乙的区段。

4. 如权利要求1至3任一所述的系统,其特征在于:

所述启动子甲为P10启动子或P6.9启动子;

所述启动子乙为P10启动子或P6.9启动子;

所述终止序列甲为HSV tk polyadenylation信号序列或SV40polyadenylation信号序列;

所述终止序列乙为HSV tk polyadenylation信号序列或SV40polyadenylation信号序列;

所述编码荧光蛋白甲的区段为编码绿色荧光蛋白的基因或编码红色荧光蛋白的基因;

所述编码荧光蛋白乙的区段为编码绿色荧光蛋白的基因或编码红色荧光蛋白的基因。

5. 如权利要求1至4任一所述的系统,其特征在于:所述蛋白酶为TEV蛋白酶。

6. 如权利要求1至5任一所述的系统,其特征在于:所述系统为同时表达Alpha亚基、Beta亚基、Beta'亚基、Gamma亚基、Delta亚基、Epsilon亚基和Zeta亚基的系统;

所述Alpha亚基、所述Beta亚基、所述Beta'亚基、所述Gamma亚基、所述Delta亚基、所述Epsilon亚基和所述Zeta亚基组成人源COPI复合体。

7. 如权利要求1至6任一所述的系统,其特征在于:

所述DNA甲的核苷酸序列的反向互补序列如序列表中序列3自5'末端起第3992至第12927位所示;

所述DNA乙的核苷酸序列如序列表中序列3自5'末端起第12951至第22314位所示。

8. 一种转移载体,其特征在于:所述转移载体是在骨架载体的不同多克隆位点分别插入权利要求1至6中任一所述DNA甲和权利要求1至6中任一所述DNA乙得到的重组载体。

9. 权利要求1至7任一所述的系统,或,权利要求8所述转移载体在同时表达n个目的物中的应用;所述目的物为蛋白或蛋白亚基或蛋白片段或多肽或多肽片段;n为2以上的自然数。

10. 一种同时表达n个目的物的方法,包括如下步骤:将权利要求8所述转移载体转化受体菌并培养,获得重组杆状病毒穿梭载体;将所述重组杆状病毒穿梭载体转染昆虫细胞,继而表达的n个目的物。

一种同时表达n个蛋白或蛋白亚基的方法及其专用系统

技术领域

[0001] 本发明涉及生物技术领域,具体涉及一种同时表达n个蛋白或蛋白亚基的方法及其专用系统。

背景技术

[0002] 杆状病毒表达系统(Baculovirus Expression System,BVES)是在昆虫细胞中高效表达外源蛋白质的有力工具,具有安全性好、表达水平高、可进行翻译后加工等优点。由于杆状病毒的基因组庞大,外源基因的克隆不能通过酶切连接的方法直接插入,所以人们对杆状病毒基因组进行改造,并构建与之相匹配的转移载体,使两者重组为能够感染昆虫细胞的含外源基因的重组杆状病毒。在目前广泛使用的Bac to Bac系统中,杆状病毒穿梭载体(Bacmid)既可以在大肠杆菌中复制,又可以感染鳞翅目昆虫细胞,其在大肠杆菌中可以与含外源基因的匹配转移载体发生Tn7位点特异性重组。重组得到的杆状病毒穿梭载体能在大肠杆菌中高效复制,被提纯后可用于转染昆虫细胞。

[0003] 杆状病毒基因组容量大,可以在转移载体上插入多个开放阅读框(ORF,Open Reading Frame),继而使得到的重组杆状病毒穿梭载体在昆虫细胞中同时表达多个蛋白质。这也是目前在昆虫细胞中实现多种蛋白质共表达的通用思路。

[0004] 质粒pFastBac-Dual含有两个头对头放置的开放阅读框(ORF,Open Reading Frame),一个ORF以p10启动子起始,HSV tk polyadenylation信号序列终止;另一个ORF以polyhedrin启动子起始,SV40polyadenylation信号序列终止。质粒pFastBac-Dual可以作为转移载体,但只能同时表达两种蛋白质,若要表达两种以上的蛋白质,则需要另构建其它转移载体。例如要表达由四种不同亚基构成的蛋白质复合物,需要经过如下步骤:(1)构建重组质粒pFastBac-Dual-A-B(含A基因和B基因的质粒pFastBac-Dual)和重组质粒pFastBac-Dual-C-D(含C基因和D基因的质粒pFastBac-Dual);(2)将步骤(1)构建的重组质粒分别与Bacmid进行重组,得到两种重组Bacmid;(3)将步骤(2)得到的两种重组Bacmid分别转染昆虫细胞,得到两种病毒。(4)用步骤(3)得到的两种病毒同时感染昆虫细胞,实现四种亚基的共表达。这种多病毒共感染方法的蛋白表达量通常要低于单一病毒感染细胞的蛋白表达量。

[0005] 近几年流行的MultiBac系统考虑到这一点,只用一种重组Bacmid感染细胞,进行蛋白质复合体的表达。该系统的表达思路也是一个ORF表达一种蛋白质。通过受体质粒与供体质粒上LoxP位点介导的重组,实现质粒的融合,将不同来源的ORF整合到一个转移载体上,然后与Bacmid重组,实现多种蛋白质的共表达。这种方法的局限性为要构建多种含目的基因的供体质粒与受体质粒,供体质粒与受体质粒要经过多次整合与筛选,才能得到最终用于表达的转移载体,耗时耗力。

[0006] 上述两种方法除了分子克隆操作繁琐外,还含有以下几种缺陷:一是在表达过程中无法控制各个亚基的拷贝数,最终无法纯化到性质较为均一的蛋白质复合体;二是在病毒感染过程中无法判断目的蛋白是否表达。

发明内容

- [0007] 本发明所要解决的技术问题是同时表达n个蛋白或蛋白亚基。
- [0008] 为解决上述技术问题,本发明首先提供了一种同时表达n个目的物的系统,所述目的物为蛋白或蛋白亚基或蛋白片段或多肽或多肽片段。
- [0009] 本发明所提供的一种同时表达n个目的物的系统,包含DNA甲和DNA乙;
- [0010] 所述DNA甲依次包括如下元件:启动子甲、融合基因甲、终止序列甲;所述融合基因甲中含有片段I;所述片段I包括m1个区段,每个区段编码一个所述目的物,每相邻两个区段之间具有一个特异区;所述特异区编码蛋白酶的酶识别序列;
- [0011] 所述DNA乙依次包括如下元件:启动子乙、融合基因乙、终止序列乙;所述融合基因乙中含有片段II;所述片段II包括m2个区段,每个区段编码一个所述目的物,每相邻两个区段之间具有一个所述特异区;融合基因乙中还含有编码所述蛋白酶的区段;所述编码所述蛋白酶的区段与所述片段II之间具有一个所述特异区;
- [0012] 所述目的物为蛋白或蛋白亚基或蛋白片段或多肽或多肽片段;
- [0013] m1为2以上的自然数;m2为2以上的自然数;m1+m2=n。
- [0014] 所述融合基因甲整体形成一个完整的开放阅读框,5'末端为起始密码子,3'末端为终止密码子。
- [0015] 所述融合基因乙整体形成一个完整的开放阅读框,5'末端为起始密码子,3'末端为终止密码子。
- [0016] 所述DNA甲和所述DNA乙可分别存在,也可以存在于同一个DNA分子中。
- [0017] 所述DNA甲和所述DNA乙可分别存在于不同的表达载体,也可存在于同一个表达载体。
- [0018] 上述系统中,所述融合基因甲中还可含有一个编码荧光蛋白甲的区段,所述编码荧光蛋白甲的区段与所述片段I之间具有一个以上所述特异区。
- [0019] 上述系统中,所述融合基因乙中还可含有一个编码荧光蛋白乙的区段,所述编码荧光蛋白乙的区段与所述片段II之间具有一个所述特异区。
- [0020] 上述系统中,所述融合基因甲依次可包括:所述片段I、所述编码荧光蛋白甲的区段。
- [0021] 上述系统中,所述融合基因乙依次可包括:所述编码所述蛋白酶的区段、所述片段II、所述编码荧光蛋白乙的区段。
- [0022] 所述编码所述蛋白酶的区段可位于所述片段II的上游。
- [0023] 上述系统中,所述启动子甲可为P10启动子或P6.9启动子。
- [0024] 上述系统中,所述启动子乙可为P10启动子或P6.9启动子。
- [0025] 上述系统中,所述终止序列甲可为HSV tk polyadenylation信号序列或SV40polyadenylation信号序列。
- [0026] 上述系统中,所述终止序列乙可为HSV tk polyadenylation信号序列或SV40polyadenylation信号序列。
- [0027] 上述系统中,所述编码荧光蛋白甲的区段可为编码绿色荧光蛋白的基因或编码红色荧光蛋白的基因。

- [0028] 上述系统中,所述编码荧光蛋白乙的区段可为编码绿色荧光蛋白的基因或编码红色荧光蛋白的基因。
- [0029] 上述系统中,所述P10启动子的反向互补序列如序列表中序列2自5'末端起第7820至7929位所示。
- [0030] 上述系统中,所述P6.9启动子的核苷酸序列如序列表中序列2自5'末端起第7953至8047位所示。
- [0031] 上述系统中,所述编码绿色荧光蛋白的基因如序列表中序列1自5'末端起第778至1497位所示。
- [0032] 上述系统中,所述编码红色荧光蛋白的基因的反向互补序列如序列表中序列1自5'末端起第9至719位所示。
- [0033] 上述系统中,所述目的物中不具有所述蛋白酶的酶切识别序列。
- [0034] 所述蛋白酶具体可为TEV蛋白酶。
- [0035] 上述系统中,所述TEV蛋白酶的编码基因如序列表中序列2自5'端起8051至8821位所示。
- [0036] 上述系统中,所述TEV蛋白酶的酶切识别序列如序列表中序列2自5'末端起第16304至16324位所示。
- [0037] 上述系统中,所述DNA甲和所述DNA乙,可同向表达,也可反向表达。
- [0038] 上述系统中,所述融合基因甲的核苷酸序列的反向互补序列如序列表中序列2自5'末端起第1至第7812位所示。
- [0039] 上述系统中,所述融合基因乙的核苷酸序列如序列表中序列2自5'末端起第8051至第10324位所示。
- [0040] 上述系统中,所述DNA甲的核苷酸序列的反向互补序列如序列表中序列3自5'末端起第3992至第12927位所示。
- [0041] 上述系统中,所述DNA乙的核苷酸序列如序列表中序列3自5'末端起第12951至第22314位所示。
- [0042] 上述任一所述系统可为同时表达Alpha亚基、Beta亚基、Beta'亚基、Gamma亚基、Delta亚基、Epsilon亚基和Zeta亚基的系统;所述Alpha亚基、所述Beta亚基、所述Beta'亚基、所述Gamma亚基、所述Delta亚基、所述Epsilon亚基和所述Zeta亚基可组成人源COP1复合体。
- [0043] 为解决上述技术问题,本发明还提供了一种转移载体。本发明所提供的转移载体可为将上述任一所述DNA甲和上述任一所述DNA乙分别插入骨架载体的多克隆位点,得到的重组载体。
- [0044] 所述转移载体的制备方法具体如下:
- [0045] (1)将质粒pFastbac-Dual的限制性内切酶KpnI识别序列和限制性内切酶HindIII识别序列间的DNA小片段替换为核苷酸序列是序列表的序列1所示的DNA分子,得到重组质粒;
- [0046] (2)将步骤(1)得到的重组质粒的限制性内切酶XbaI识别序列和切割内切酶Nb.BbvCI识别序列间的DNA小片段替换为核苷酸序列是序列表的序列2所示的DNA分子,得到转移载体。

[0047] 所述转移载体具体可为重组质粒pFBD-mCEG-COPI。重组质粒pFBD-mCEG-COPI的核苷酸序列如序列表中序列3所示。

[0048] 上述任一所述同时表达n个目的物的系统或所述转移载体在表达n个目的物中的应用也属于本发明的保护范围；所述目的物为蛋白或蛋白亚基或蛋白片段或多肽或多肽片段；n为2以上的自然数。

[0049] 为解决上述技术问题，本发明还提供了一种同时表达n个目的物的方法。

[0050] 本发明所提供的同时表达n个目的物的方法，包括如下步骤：将上述任一所述转移载体转化受体菌并培养，获得重组杆状病毒穿梭载体；将所述重组杆状病毒穿梭载体转染昆虫细胞，继而表达的n个目的物；

[0051] 所述目的物为蛋白或蛋白亚基或蛋白片段或多肽或多肽片段；n为2以上的自然数。

[0052] 上述方法中，所述受体菌为含有杆状病毒穿梭载体的受体菌。

[0053] 本发明中，所述蛋白酶的种类可为一种或多种。

[0054] 实验证明，将编码人源COPI复合体的各个亚基的基因插入重组质粒pFBD-mCEG-COPI，转化受体菌，获得重组杆状病毒穿梭载体；将所述重组杆状病毒穿梭载体转染昆虫细胞，即为获得有活性的人源COPI复合体。因此，利用本发明提供的同时表达n个目的物的系统可以同时表达多个蛋白或蛋白亚基或多肽或多肽片段。本发明所提供的同时表达n个目的物的系统具有如下优点：一是在表达过程中可控制各个蛋白亚基的拷贝数，可纯化到性质较为均一的蛋白质复合体；二是在病毒感染过程中可判断目的蛋白是否表达；三是省时省力。本发明提供的同时表达n个目的物的系统在同时表达多个蛋白或蛋白亚基或多肽或多肽片段中具有重要的应用价值。

附图说明

[0055] 图1为重组质粒pFBD-mCEG的图谱。

[0056] 图2为人源COPI复合体各亚基的位置示意图。

[0057] 图3为重组质粒pFBD-mCEG-COPI的图谱。

[0058] 图4为实施例2步骤二的荧光显微镜观察结果。

[0059] 图5为COPI复合体的SDS-PAGE。

[0060] 图6为实施例2步骤三的COPI复合体的生物学活性检测结果。

具体实施方式

[0061] 下面结合具体实施方式对本发明进行进一步的详细描述，给出的实施例仅为了阐明本发明，而不是为了限制本发明的范围。

[0062] 下述实施例中的实验方法，如无特殊说明，均为常规方法。

[0063] 下述实施例中所用的材料、试剂等，如无特殊说明，均可从商业途径得到。

[0064] 以下实施例中的定量试验，均设置三次重复实验，结果取平均值。

[0065] KpnI-HF、HindIII-HF和CIP为NEB公司产品。胶回收试剂盒为GenStar公司产品。DNA ligation Kit为Takara公司产品。质粒pFastbac-Dual和DH10Bac感受态细胞均为Invitrogen公司产品。质粒pmCherry-N1和质粒peGFP-N1均为Clontech公司产品。sf9细胞、

cellfectin II、Sf-900TM II SFM培养基和Grace's Insect Cell Culture Medium, Unsupplemented均为Invitrogen公司产品,产品目录号分别为B82501、10362100、10902096 和11595030。Mono Q 5/50GL阴离子交换柱为GE公司产品,产品目录号为17-5166-01。GTP γ S为Sigma-alorich公司产品,产品目录号为G8634。1,2-二-(9Z-十八碳烯酰基)-sn-甘油-3-磷酸胆碱(DOPC)、1,2-二-(9Z-十八碳烯酰基)-sn-甘油-3-磷酸乙醇胺(DOPE)、1,2-二-十八碳烷酰基-sn-甘油-3-磷酸胆碱(DSPC)、phosphoinositides(PIPs)和sphingolipid(在下文中简称SM)和胆固醇为Avanti公司的产品。NZCYM培养基和肉豆蔻酸钠为Sigma公司产品,货号分别N3643M8005和M8005。

- [0066] 裂解缓冲液:含100mM NaCl、10%甘油和1mMDTT的pH8.0、50mM Tris-CI缓冲液。
- [0067] 洗脱缓冲液:含100mM NaCl、10%甘油、1mMDTT和5mM 脱硫生物素的pH8.0、50mM Tris-CI缓冲液。
- [0068] 低盐buffer:含100mM NaCl和10%甘油的pH8.0、20mM Bicine缓冲液。
- [0069] 高盐buffer:含1M NaCl和10%甘油的pH8.0、20mM Bicine缓冲液。
- [0070] buffer A:含1mM EDTA、0.2mM GDP和1mM DTT的pH8.0、20mM Tris缓冲液。
- [0071] Buffer B:含1mM MgCl₂、5μM GDP和1mM DTT的pH8.0、20mM Tris缓冲液。
- [0072] Buffer C:含1M NaCl的Buffer B。
- [0073] buffer D:含1mM MgCl₂、5μM GDP和1mM DTT的pH5.7、10mM MES缓冲液。
- [0074] buffer E:含0.5M NaCl的buffer D。
- [0075] buffer F:含2.5mM Mg(OAc)₂、0.2M蔗糖、25mMKCl的pH7.2、20mM Hepes缓冲液。
- [0076] 质粒pET11d-Arf1记载在如下文献中:Manneville JB,Casella JF,et al.COPI coat assembly occurs on liquid-disordered domains and the associated membrane deformations are limited by membrane tension.Proc Natl Acad Sci USA.2008 Nov 4;105(44):16946-51.
- [0077] 质粒pBB131-nmt记载在如下文献中:Duronio RJ,Jackson-Machelski E,Heuckeroth RO,et al.Protein N-myristoylation in Escherichia coli: reconstitution of a eukaryotic protein modification in bacteria.Proc Natl Acad Sci USA.1990 Feb;87(4):1506-10.
- [0078] 实施例1、重组质粒pFBD-mCEG的构建
- [0079] 构建重组质粒pFBD-mCEG的步骤如下:
- [0080] 1、引物合成
- [0081] 表1. TAIL-PCR扩增引物

[0082]

引物名称	引物序列(5' -3')
mCherry-F	AAAGGTACCTTAGTCAGTTACTTGTACAGCTCGTCATGCCGC (下划线为限制性内切酶 Kpn I 的识别序列)
mCherry-mut-F	TGTAGGTGGTCTTGACTTCAGCGTCGTAGTGGC
mCherry-mut-R	GCCACTACGACGCTGAAGTCAAGACCACCTACA
mCherry-R1	GGATCCTCTAGACAGGCTCCTCCCTCAGCAAATGGTGAGCAAGGGCGAGGAGG
mCherry-R2	CTGCTGAGGAGATCCACCGGTCTAGAGGATCCTCTAGACAGGCTCCTCCCC
eGFP-F	TCTAGACCGGTGGATCTCCTCAGCAGATGGTGAGCAAGGGCGAGGAGCT
eGFP-R	TTTA <u>AAGCTTT</u> AGTCAGTTACTTGTACAGCTCGTCATGCCG (下划线为限制性内切酶 HindIII 的识别序列)

[0083] 人工合成表1中所示的引物。

[0084] 2、第一轮PCR反应

[0085] (1)以质粒pmCherry-N1为模板,以步骤1合成的mCherry-F和mCherry-mut-R为引物,进行PCR扩增,获得PCR扩增产物mCherry-L。

[0086] 反应程序为:98℃2min;98℃15s,57℃15s,72℃1min40s,共30个循环;72℃10min。

[0087] (2)以质粒pmCherry-N1为模板,以步骤1合成的mCherry-mut-F和mCherry-R1为引物,进行PCR扩增,获得PCR扩增产物mCherry-R。

[0088] 反应程序为:98℃2min;98℃15s,57℃15s,72℃1min40s,共30个循环;72℃10min。

[0089] (3)以质粒peGFP-N1为模板,以步骤1合成的eGFP-F和eGFP-R为引物,进行PCR扩增,获得PCR扩增产物eGFP。

[0090] 反应程序为:98℃2min;98℃15s,57℃15s,72℃1min40s,共30个循环;72℃10min。

[0091] 3、第二轮PCR反应

[0092] (1)将步骤2中(1)获得的PCR扩增产物mCherry-L和步骤2中(2)获得的PCR扩增产物mCherry-R等摩尔比混合,得到混合液甲。

[0093] (2)以混合液甲为模板,以步骤1合成的mCherry-F和mCherry-R2为引物,进行PCR扩增,获得PCR扩增产物mCherry-mut。

[0094] 反应程序为:98℃2min;98℃15s,57℃15s,72℃1min40s,共30个循环;72℃10min。

[0095] 4、第三轮PCR反应

[0096] (1)将步骤3中获得的PCR扩增产物mCherry-mut和步骤2中(3)获得的PCR扩增产物eGFP等摩尔比混合,得到混合液乙。

[0097] (2)以混合液乙为模板,以步骤1合成的mCherry-F和eGFP-R为引物,进行PCR扩增,获得PCR扩增产物mCherry-eGFP。

[0098] 反应程序为:98℃2min;98℃15s,57℃15s,72℃1min40s,共30个循环;72℃10min。

[0099] 5、用限制性内切酶Kpn I-HF和Hind III-HF酶切PCR扩增产物mCherry-eGFP,然后利用胶回收试剂盒回收酶切产物。

[0100] 6、用限制性内切酶Kpn I-HF和Hind III-HF酶切质粒pFastbac-Dual;然后加入CIP,37℃处理1h;最后利用胶回收试剂盒回收约4.8kb的载体骨架。

[0101] 7、将酶切产物与载体骨架通过DNA ligation Kit连接,得到重组质粒pFBD-mCEG。重组质粒pFBD-mCEG的图谱见图1。

[0102] 根据测序结果,对重组质粒pFBD-mCEG进行结构描述如下:将质粒pFastbac-Dual的限制性内切酶KpnI和HindIII的识别序列间的DNA小片段替换为核苷酸序列是序列表的序列1所示的DNA分子,得到重组质粒pFBD-mCEG。序列表中的序列1自5'末端起,第9至719位为mCherry蛋白的编码基因的反向互补序列,第722至728位为切割内切酶Nb.BbvCI的识别序列的反向互补序列,第740至745位为限制性内切酶XbaI的识别序列,第746至751位为限制性内切酶BamHI的识别序列,第752至757位为限制性内切酶XbaI识别位点,第757至762位为限制性内切酶AgeI识别位点,第769至775位为切割内切酶Nb.BbvCI识别序列;第778至1497位为EGFP蛋白的编码基因。

[0103] 实施例2、利用实施例构建的重组质粒pFBD-mCEG在昆虫细胞中表达人源COPI复合体

[0104] 人源COPI复合体由7种单拷贝亚基组成,7种单拷贝亚基分别为Alpha亚基、Beta亚基、Beta'亚基、Gamma亚基、Delta亚基、Epsilon亚基和Zeta亚基,其总分子量高达558kDa。人源COPI复合体以下简称COPI复合体。

[0105] 一、构建重组质粒pFBD-mCEG-COPI

[0106] 构建重组质粒pFBD-mCEG-COPI的方法有两种:

[0107] 第一种方法是按照如下步骤构建:(1)用限制性内切酶XbaI和切割内切酶Nb.BbvCI双酶切实施例1构建的重组质粒pFBD-mCEG,回收约6300bp的线性化质粒。(2)完成步骤(1)后,将线性化质粒和序列表中的序列2所示的双链DNA分子按照Gibson Assembly的方法(Gibson DG, Young L, Chuang RY, Venter JC, Hutchison CA 3rd, Smith HO. Enzymatic assembly of DNA molecules up to several hundred kilobases. Nat Methods. 2009 May; 6(5):343-5.)进行单段重组或多段重组,得到重组质粒pFBD-mCEG-COPI。重组质粒pFBD-mCEG-COPI的序列如序列表中的序列3所示。

[0108] 第二种方法是将重组质粒pFBD-mCEG和序列表中序列3所示的核苷酸序列提供给基因公司,由基因公司完成重组质粒pFBD-mCEG-COPI的构建。

[0109] 本发明采用第二种方法构建重组质粒pFBD-mCEG-COPI,完成构建的基因公司为苏州金唯智生物科技有限公司。重组质粒pFBD-mCEG-COPI的图谱见图3。

[0110] 根据测序结果,重组质粒pFBD-mCEG-COPI的核苷酸序列如序列表中序列3所示。重组质粒pFBD-mCEG-COPI含有序列表中的序列2所示的双链DNA分子,序列表中的序列2自5'末端起,第1至21位为TEV酶剪切位点(TEV Cleavage Site, TCS)识别序列的反向互补序列,第22至552位为Zeta亚基的编码基因(又称Zeta基因)的反向互补序列,第553至582位为Myc标签的编码基因的反向互补序列,第583至603位为TCS识别序列的反向互补序列,第604至2136位为Delta亚基的编码基因(又称Delta基因)的反向互补序列,第2137至2160位为Flag标签的编码基因的反向互补序列,第2161至2181位为TCS识别序列的反向互补序列,第2182至4803位为Gamma亚基的编码基因(又称Gamma基因)的核苷酸序列,第4804至4827位为Flag标签的编码基因的核苷酸序列,第4828至4848位为TCS识别序列的反向互补序列,第4849至7707位为Beta亚基的编码基因(又称Beta基因)的反向互补序列,第7708至7812位为Twin-Strep Tag的编码基因(又称Twin-Strep基因)的反向互补序列,第7820至7929位为P10启动

子的反向互补序列,第7953至8047位为P6.9启动子的核苷酸序列,第8051至8821位为TEV酶的编码基因(又称TEV基因)的核苷酸序列,第8822至8842位为TCS的识别序列,第8843至8866位为Flag标签的编码基因的核苷酸序列,第8867至12565位为Alpha亚基的编码基因(又称Alpha基因)的核苷酸序列,第12566至12586位为TCS的识别序列,第12587至12616位为Myc标签的编码基因的核苷酸序列,第12617至15334位为Beta'亚基的编码基因(又称Beta'基因)的核苷酸序列,第15335至15355位为TCS的识别序列,第15356至15379位为Flag标签的编码基因(又称Flag基因)的核苷酸序列,第15380至16303位为Epsilon lon亚基的编码基因(又称Epsilon基因)的核苷酸序列,第16304至16324位为TCS的识别序列。Alpha亚基、Beta亚基、Beta'亚基、Gamma亚基、Delta亚基、Epsilon亚基和Zeta亚基的位置示意图如图2所示。

[0111] 二、在昆虫细胞中表达人源COPI复合体

[0112] 参考Invitrogen公司的“Bac-to-Bac® Baculovirus Expression System”的操作手册,在昆虫细胞中表达人源COPI复合体(下文简称COPI复合体)。具体步骤如下:

[0113] 1、将重组质粒pFBD-mCEG-COPI转化DH10Bac感受态细胞,得到重组菌落。

[0114] 2、完成步骤1后,提取重组菌落的重组Bacmid DNA。

[0115] 3、用Grace's Insect Cell Culture Medium,Unsupplemented稀释处于对数生长期的sf9细胞,得到稀释液,稀释液中sf9细胞的密度为 5.0×10^5 个/mL。

[0116] 4、向直径为35mm的平皿中加入2mL步骤3得到的稀释液,28℃、培养4h。

[0117] 5、向溶液B中加入溶液A,混匀,室温放置25min,得到混合物;其中溶液A的制备方法为向100μL Grace's Insect Cell Culture Medium,Unsupplemented加入2.5μg步骤2提取的重组Bacmid DNA;溶液B的制备方法为取100μL Grace's Insect Cell Culture Medium,Unsupplemented加入8μL cellfectin II。

[0118] 6、完成步骤4后,取所述平皿,逐滴加入步骤5得到的混合物,然后28℃、培养4h;弃上清,加入2mL Sf-900™ II SFM培养基,28℃静置培养144h。

[0119] 完成步骤6后,取所述平皿,用Nikon TS100倒置荧光显微镜观察。结果见图4(左图为EGFP的荧光(使用Nikon B-2A荧光模块观察,激发波长范围450~490nm),右图为mCherry的荧光(使用Nikon-2A荧光模块观察,激发波长范围510~560nm))。结果表明,用荧光显微镜可以观察到红光和绿光。因此,Alpha亚基、Beta亚基、Beta'亚基、Gamma亚基、Delta亚基、Epsilon亚基和Zeta亚基均可以正常表达。

[0120] 7、完成步骤6后,取上清,获得P1代病毒液。

[0121] 8、完成步骤7后,取P1代病毒液200μL,接种于装有180mL、sf9细胞浓度为 2.0×10^6 个/mL的昆虫细胞培养基的2L三角摇瓶中,28℃、150rpm培养96h。然后4℃、2000g离心5min,取上清液,获得P2代病毒液。

[0122] 9、取10mL P2代病毒液,接种于装有500mL、sf9细胞浓度为 2.0×10^6 个/mL的昆虫细胞培养基的2L三角摇瓶中,28℃、150rpm培养72h。然后4℃、2000g离心5min,收集沉淀,即为感染细胞。

[0123] 10、完成步骤9后,取所述感染细胞,先用裂解缓冲液重悬,使用Dounce匀浆器匀浆40次(整个匀浆过程中,细胞一直处于冰浴中)得到细胞裂解液;然后4℃、15000rpm离心40min,收集上清液。

[0124] 11、完成步骤10后,将收集的上清液上样至Strep自装柱(Strep亲和介质为IBA公司产品),先用50个柱体积的裂解缓冲液洗脱以去除杂蛋白,再用10个柱体积的洗脱缓冲液洗脱,收集过柱后的洗脱液。

[0125] 12、完成步骤11后,将收集的过柱后的洗脱液上样至Mono Q 5/50GL阴离子交换柱,然后用洗脱液进行洗脱,Bio-rad NGC层析仪进行检测。洗脱液由低盐buffer和高盐buffer组成,流速为1mL/min。梯度洗脱程序:洗脱液中高盐buffer的体积百分含量由0%匀速增至1000%,低盐buffer的体积百分含量由100%匀速降至0%,线性梯度洗脱20个柱体积。检测波长为280nm。收集并合并洗脱峰。得到的溶液即为COPI复合体溶液。

[0126] 实验结果见图5。结果表明,经过上述步骤可获得纯度在95%以上的COPI复合体,每升昆虫细胞中可以纯化得到1.5mg COPI复合体。

[0127] 三、在昆虫细胞中表达COPI复合体的生物学活性检测

[0128] 1、Myr-Arf1蛋白的表达和纯化

[0129] (1)Myr-Arf1蛋白的表达

[0130] 将质粒pET11d-Arf1和质粒pBB131-nmt导入大肠杆菌BL21(DE3),得到重组大肠杆菌,将该重组大肠杆菌的单克隆接种于25mL含50μg/ml卡那霉素和50μg/ml氨苄青霉素的NZCYM培养基中,37℃、200rpm振荡培养至OD₆₀₀值为0.8,得到培养菌液1;取5mL培养菌液1,以1:180(体积比)接种至NZCYM培养基中,37℃、180rpm振荡培养至OD₆₀₀值为0.4,得到培养菌液2;向培养菌液2中加入肉豆蔻酸钠水溶液(使肉豆蔻酸钠在培养体系中的浓度为50μM),37℃、180rpm振荡培养至OD₆₀₀值为0.8,得到培养菌液3;向培养菌液3中加入IPTG(使其在培养体系中的浓度为1mM),37℃诱导4h,离心收集菌体。

[0131] (2)Myr-Arf1蛋白的纯化

[0132] ①取步骤(1)收集到的菌体,置于冰上超声破碎(功率300W,工作时间8s,间歇5s,总破碎时间10min),得到菌体破碎液。

[0133] ②将菌体破碎液4℃、100000g离心20min,得到上清液1;将上清液1 4℃、100000g离心60min,得到上清液2。

[0134] ③将上清液2置于冰上,边搅拌边按照35%饱和度缓缓加入硫酸铵粉末(加入总时间控制在45min内,加入硫酸铵的作用为富集修饰过的Arf1蛋白),然后继续在冰上搅拌1h,得到混合体系。

[0135] ④将混合体系4℃、8000g离心25min,弃上清,沉淀用buffer A悬浮,得到悬浮液;然后将悬浮液4℃、10000rpm离心40min,得到上清液3。

[0136] ⑤将上清液3上样至buffer B平衡的HiTrap Desalting层析脱盐柱(GE公司产品)上,用buffer B进行洗脱,得到脱盐后溶液;将脱盐后溶液上样至buffer B平衡的HiTrap DEAE FF层析柱(GE公司产品)上,用混合液(由buffer C和buffer B组成,体积比为1:19)洗脱目的蛋白,根据SDS-PAGE考染检测结果,将只含有修饰过的Arf1蛋白的洗脱液用截留值为3kDa的缩滤管浓缩,得到浓缩液。

[0137] ⑥将浓缩液上样至buffer B平衡的HiTrap Desalting层析脱盐柱中,用buffer B进行洗脱,得到脱盐后的浓缩液。

[0138] ⑦将脱盐后的浓缩液上样至buffer D平衡好的Mono S 5/50GL阳离子交换层析柱(GE公司产品)上,然后用20mL洗脱液进行洗脱。洗脱液由buffer E和水组成。梯度洗脱程

序:洗脱液中buffer E的体积百分含量由0%匀速增至100%,水的体积百分含量由100%匀速降至0%。根据SDS-PAGE考染检测结果收集只含有修饰过的Arf1蛋白的洗脱液,然后用截留值为3kDa的缩滤管浓缩,得到浓度为10mg/mL的Myr-Arf1蛋白溶液。分装后-80℃保存。

[0139] 2、脂质体的制备

[0140] 将快速冻融法和extrusion方法结合使用制备脂质体,具体步骤如下:

[0141] (1)将DOPC、DOPE、DOPS、SM和PIPs溶解于氯仿中,得到混合液甲,混合液甲中DOPC、DOPE、DOPS、SM和PIPs的浓度均为10mg/mL。

[0142] (2)将胆固醇溶解于60℃的甲醇中,得到混合液乙,混合液乙中胆固醇的浓度为5mg/mL。

[0143] (3)将混合液甲和混合液乙按照不同的比例混合,用氮气小心吹干,在真空腔体内抽气3h以上,保证有机溶剂全部除去,得到脂质混合物。

[0144] (4)完成步骤(3)后,将脂质混合物用buffer F重悬,37℃涡旋震荡孵育30min。

[0145] (5)完成步骤(4)后,将脂质混合物用液氮快速冷冻1min,37℃水浴融化1min,如此反复冻融5次,以减少多室脂质体。最后将extruder(Avanti公司产品)装配上0.2μM的滤膜在室温下反复挤压脂质混合物21次,即为制备的脂质体。

[0146] 3、制备COPI活性检测体系

[0147] 对照组i的检测体系包括步骤2制备的脂质体。

[0148] 对照组ii的检测体系包括步骤2制备的脂质体、步骤1制备的Myr-Arf1蛋白溶液和GTP γ S。

[0149] 对照组iii的检测体系包括步骤2制备的脂质体、步骤二制备的COPI复合体和GTP γ S。

[0150] 对照组iv的检测体系包括步骤2制备的脂质体、步骤1制备的Myr-Arf1蛋白溶液和步骤二制备的COPI复合体。

[0151] 检测组的检测体系包括步骤2制备的脂质体、步骤1制备的Myr-Arf1蛋白溶液、步骤二制备的COPI复合体和GTP γ S。

[0152] 上述各检测体系的体积均为250μL,反应环境为buffer F。

[0153] 上述各组的检测体系中,Myr-Arf1蛋白的浓度为0.1mg/mL,GTP γ S的浓度为25μM,脂质体的浓度为1.5mg/mL,COPI复合体的浓度为0.1mg/mL。

[0154] 4、完成步骤3后,将各检测体系均37℃孵育30min。

[0155] 5、完成步骤4后,向Beckman 344090离心管底部依次加入10μL含45%(质量体积比)蔗糖的buffer F、50μL的含37.5%(质量体积比)蔗糖的buffer F,然后用Beckman超速离心机的MLS-50转子和适配器356860,以100000g离心50min,吸取两层蔗糖间的10μL液相作为样品。

[0156] 6、完成步骤5后,各取样品5μL,加到经过辉光放电处理的、碳包被的电镜载网(LifeTrust公司产品)上,用超纯水漂洗后,然后加入浓度为2%(质量体积比)的醋酸铀水溶液,室温染色1分钟。用200KV的FEI Talos场发射电镜观察载网上的样品。

[0157] 实验结果见图6(i为对照组i,ii为对照组ii,iii为对照组iii,iv为对照组iv,v为检测组,标尺为200nm,白色虚线方框为重组小泡)。结果表明,仅有检测组中产生重组小泡。因此,步骤二制备的COPI复合体是有生物活性的。

<110> 中国科学院生物物理研究所
 <120> 一种同时表达 n 个蛋白或蛋白亚基的方法及其专用系统
 <160> 3
 <170> PatentIn version 3.5

<210> 1
 <211> 1505
 <212> DNA
 <213> 人工序列
 <220>
 <223>
 <400> 1

ttagtcagtt acttgtacag ctcgtccatg ccgcgggtgg agtgggggcc ctcggcgegt 60
 tcgtactgtt ccacgatggt gtagtcctcg ttgtgggagg tgaatgtccaa cttgtatgtt 120
 aegtttgtagg cgeccgggcag ctgcacgggc ttcttggct ttaggggtt cttgacttca 180
 gcgtcgtagt ggcgcgcgtc cttagatc agectctgt tgaatctegee cttcaggggcg 240
 ccttcctcggtt ggtacatccg ctggaggag ggctcccaage ccatggtctt ctttgcatt 300
 acggggccgtt cggaggggaa gttggtgccg cgcacatca cctttagat gaactcgccg 360
 tcctgcagggtt aggagtccctg ggtcacggc accacgcgc cgttcctcgaa gttcatcag 420
 cgctcccaact tgaagccctc ggggaaggac agettaagt agtggggat gtcggcgggg 480
 tgcttcaacgtt aggccttgaa ggcgtacatg aactgagggg acaggatgtc ccaggegaag 540
 ggcagggggc cacccttggtt caccctcage ttggcggtctt gggtgcctc gtagggcggg 600
 [0001] ccctcgccctt cgcctcgat ctgcacactcg tggccgttca cggagccctc catgtgcacc 660
 ttgaagcgca tgaactccctt gatgatggcc atgttatectt cctcgcctt gtcaccattt 720
 tgcttggggaggaggctgtt ctagaggatc ctctagacgg gtggatctcc tcagcagatg 780
 gtgagcaagg gcgaggagctt gttcacccgggtt gtggtgccta tcctggtcga gctggacggc 840
 gacgtaaacgtt cagcgtgtcc ggcgaggggcg aggccgttcc cacctacggc 900
 aagctgaccc tgaagtttcat ctgcaccacc ggcacactcg ccgtgccttgc gcccacccctc 960
 gtgaccaccctt tgacctacgg cgtgcagtgc ttccggcttcc accccgacca catgaagcag 1020
 cacgacttctt tcaatgtccgc catgcctggaa ggcacactcg aggccgttcc catcttctt 1080
 aaggacgacg gcaactacaa gacccgcgc gagggtgaatg tgcaggccgc caccctgggt 1140
 aaccccatcg agetgaaggc ctcgtacttc aaggaggacg gcaacactctt gggccacaag 1200
 ctggaggataactacaacag ccacaaactcg tatatacatgg cgcacaaacgca gaagaacggc 1260
 atcaagggttacttcaagat ccgcacaaac atcgaggacg gcacgtgc gtcgcgcac 1320
 cactaccacccatcgccgc ggcacccgtgc tgcgtccgc caaccactac 1380
 ctggaggatccatggtgcaccaccctt gagcaaaagac cccaaacgaga agccgttcccatg 1440
 ctggaggatccatggtgcaccaccctt gagcaaaagac cccaaacgaga agccgttcccatg 1500
 actaaacttcaacttcaatgttgcaccaccctt gagcaaaagac cccaaacgaga agccgttcccatg 1505

<210> 2
 <211> 16324
 <212> DNA
 <213> 人工序列
 <220>
 <223>

	<400> 2	
	tgactggaaa tataaggctt ccegaaggag tgaccacttg atctgtttt fggctgactg	60
	cagcacctga gacacggctc gctccgttaag ggggacatct tcacccctta atgccacccg	120
	gtgtaccacc tgctgggat cactctctag gatcacccct ccatactacaa ttcatccac	180
	ageccaagaac agcccccca ttttctccag cagtgcgc ttttctacat ttttctccag	240
	catctggctc aatgagtcga agagacagg t cagaacagcc ataagcatca gtcattttc	300
	ataggagctg ccaatcacat agaaatagag atctatactg cttttgtata ccactgtcag	360
	gccttccaag agggcaattt cactgtca gcttgcgtt tttttttttt tttttttttt	420
	aaaggccctt tgccttttga caatgggtta ggttgtcga tagtacttgg caaaaagtcg	480
	atctccatca ttgtccagaa tcaggatggc ttttgcacatc tacaggaaag gttccaaaat	540
	cagcgcctcc atcaagtctt cttegttatc caacttttgc tggatgtaa agtataaaatt	600
	ctccagaatt tcatacttat ccaacttagaa agtggctct gtggaaaacc tgacgggct	660
	gtttccatctt acctgggtca ctttggtaac ctgtatgtt cagaatittt ttttggagac	720
	aaaggaaact tgaacaggaa agaagtcatt gggctgccc gcaatgtaa actccaggct	780
	gccacttta tttttggcat caatcacagg caggcaccac tecagggtat ttcgtcgact	840
	gtcatgtcga taatccccat cgatctcacc gataacagge gcccggacac cagacgggag	900
	tggatggtg ataaccacat catttcgttca taaattatct tcttgcacat catatctat	960
	tttgcacatca cagccatttc cactctccga gggccagaa ttaattgtca gtggataaaa	1020
	agattccctt gtggtttgc tgccttcactt tageacccct aegtcactgt tgactggaaa	1080
	tgacttctt ggattttca ggccaaatgg agactctgca gtggaaaatgg ttttatccac	1140
	atttggatgg tgcgttagct gcacccctttt ctatcttca ttttccacat gaagacgaat	1200
	tccgcatac ttgtcatctg agatcataag catgatcatg ccatgcaact ccatattctg	1260
[0002]	taatcccttgc ttcgtccac aggttaatgt tatcttttct tcaatcttca tatgtacact	1320
	ttccatatta atgggtggag catgcatttt gggtgttca gaagtaacgt tgccctatact	1380
	agaggacatg atggtttac cttcagattt taatttgcac acaaaggttt ctacttcctt	1440
	tccttgcctt ccaaggtttta aaggcttgc gggcccttgc ggcctggcgt gtgcagggtt	1500
	cacttttgggtt ttttgcattttt caatgtatgtt ctctgttgc atggcagctg tgctgcctcc	1560
	agatactgca gagctgccaa atccgcctaa ttttgcgttgc tttttgcctt gtctctctgc	1620
	atcttcctgg gcctttgttta attcccttgc ttiaacgcgc atctcagctt tagtttcaacg	1680
	ttcttgcgttgc tctctgtacgg ctgttgcacac ctcttccttca tgagaatccca ttctgttgc	1740
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	1800
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	1860
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	1920
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	1980
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	2040
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	2100
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	2160
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	2220
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	2280
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	2340
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	2400
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	2460
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	2520
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	2580
	tttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc ttttgcgttgc	2640

	cttacgggt tggactcaag acgatagttt ccggataagg cgcagggtc gggctgaacg gggggttcgt gcacacagcc cagcttgagg cgaacgacctt acacccaaact gagataccta cagcgtgac attgagaaaag cgccacgcit cccgaaggga gaaaggcgga caggtaatcg gtaagcggca gggtcggaaac aggagagcgc aegagggagc ttccaggggg aaacgcctgg tatctttata gtcctgtcgg gtttcgcac ctctgacttg agcgtcgatt ttgtgtatgc tcgtcagggg ggccggaccc atggaaaaac gccagacaacg cggccctttt aeggttcctg gcctttgtc ggccctttgc tcacatgttc ttccctgcgt tatccccgtt taatgtggat aacccgtatata ccgcctttga gtggatgtat accgcgttgtc gcagccgaac gaccgagcgc agcgagttag tgagcgagga agcggaaagag cgcgtatgc ggtatccctt ctttacgcatt ctgtcggta ttccacaccg catagaccag ccgcgttaacc tggcaaaaatc ggtaacggtt gagtaataaa tggatgcctt gcgttaagcgg gtgtggcgg acaataaaatc cttaaactga acaataataga tctaaactat gacaataaaag tcttaacta gacagaatag ttgtaaaactg aaatcgtcc agttatgttg tgaaaaagca taetggactt ttgttatggc taaagcaaaac tcttcatttt ctgaagtgea aattgcctt cgtattaaag agggcgtgg ccaaggcat ggtaaagact atatcgccg cgttgtaca atttaccgaa caactccgog gcccggaaago cgatctccgc ttgaacgaat tgtaggtgg cggtaatgg gtcgatatca aagtgcattca cttctcccg tatgccccaaac ttgttataga gagccactgc gggatcgta cctgtatctg cttgcacgtt gatcacataa gcatcaagcg cgttgtccgc atgttgagg agattgtatca gcccgggtggc aatgccctgc ctccgggtgtc cgcggagac tgcgatataa tagatata tctcaactacg cggctgcata aacttggca gaacgtaaac cgcggagaccc ccaacaacc cttcitggtc gaaggcagca agegcgtatga atgtttact acggagcaag ttcccgaggt aatcgagtc cggctgtatgt tggagtagg tggctacgtc tccgaactca cgaccgaaaa [0009] gatcaagagc agcccgcatg gatttgaccc ggtcaggccc gagccctacat gtgcgaatga tgcceataact tgagccaccc aacttttgtt tagggcgtact gcctgtgtc gtaacategt tgcgtgtcg taaatcgatgtt gctgcgtccat aacatcaaaac atcgacccac ggcgttaacgc gcttgcgtgtc tggatgcccc aggcataagac tgtacaaaaa aacagtcata acaagccatg aaaaccccca ctgcgtcggtt accacccgtc cgttgtccgc aggttctggc ccaatgtcg gagccataac gctacttgca ttacagttt cgaacccaaac aggtttatgt caactgggtt cgtgccttca tccgttccca cgggtgtcggtt cacccggaa cttggcag cagcgaatgc gaggcatttc tgcgtgtgtt ggcaacccgg cgcgttccac gcatcgatcg gcattggggg ccttgcgtgtt ctgtacggc aagggtgtgt gcaacggatct gcccgtgtt caggagatcg ttagaccccg gccgtcgccgg cgttgtccgc tggatgtac cccggatgaa gtggatcgca tccgtgtgtt tctggaaaggc gagccatgtt tgcgtgtgtt ggactcttagc tatagttcta gtggatcggtt acgttccgtt agtggatgt gcaaggccgtt cccggccgac gttggatcg agccctggcc cttcacccga acttgggggt tggggatggg aaaaggaaaga aacccggccg tattggtccc aatgggggtt cggatgggtt tgcacagatg gcaacccctg ggacccaaacc cccgtttat gaaacaaacga cccaaaccccg gtggatgttta ttgtgtt ttattggccgt catagccgg gttccgttccg gtattgttcc tttccgtgtt tcaatgtt tcccccattt cccggatcc ttagtccgtt tgcgtatccg tgcgtccatgc cccgggtgg gtggccggcc tccggccgtt cgtactgttc caacgtgggt tagtccgtgt tggggaggt gatgtccaaac tttgtatgttca cgttgtgtgtt gcccggccgc tgcacgggtt tttggccctt gtggatcgcc ttcacccggc cgttgtccgg gttacatccgc tggaggagg cccggccgc catggatctt ttcgtgttca cccggccgtt ggaggggaaat tggatcgccgc gcaatgtt ttgtatgtt aactccgtt cctgcaggaa ggaggccgtt gtcacggatca ccacccggcc	2040 2100 2160 2220 2280 2340 2400 2460 2520 2580 2640 2700 2760 2820 2880 2940 3000 3060 3120 3180 3240 3300 3360 3420 3480 3540 3600 3660 3720 3780 3840 3900 3960 4020 4080 4140 4200 4260 4320 4380 4440 4500 4560 4620 4680
--	--	--

	gctgaaggaga atgcaggacc tggacgagga tgccaccctc acccagctcg ccactgcctg	20940
	ggtcagecctg gccaeggggtg gtgagaagct geaggatgcc tactacatct tccaggagat	21000
	ggctgacaag tgctcgccca ccctgetgct gctcaatggg caggcggct gceacatggc	21060
	ccagggcgc tgggaggccg etgaggccct gctgcaggag gcgctagaca aggatagtgg	21120
	ctacccagag acgctggta acctcatgt cctgtcccag cacctggca agccccctga	21180
	ggtgacaaac cgataacctgt cccagctgaa ggatgcccac aggtcccacat cttcatcaa	21240
	ggagtaccag gccaggaga acgacttta caggtggtg ctacagtacg ctcccagcgc	21300
	cgagaacttg tactttcaga gtatgttag caagggcgag gagctgtca ccgggttgtt	21360
	gccccatctg gtcgagctgg acggcgtaa acggccac aagttcagcg tgtccggcga	21420
	gggggaggc gatgccacct acggcaagct gaccctgaag ttcatctgca ccacccggcaa	21480
	gtgtccctgt ccctggccca ccctctgtac caccctgacc tacggcgtgc agtgcattcag	21540
	cgttccatccc gaccacatga agcagcacga cttttcaag tccggccatgc ccgaaggcta	21600
	cgttccaggag cgcaccatct tcttcaagga cgacggcaac tacaagaccc ggcgcgaggt	21660
	gaagttcggag ggcgacaccc tggtaaccg catcgagctg aaggccatcg acttcaagga	21720
[0016]	ggacggcaac atccctgggc acaagctgga gtacaactac aacagccaca acgtctatat	21780
	catggccgac aagcagaaga acggcatcaa ggtgaacttc aagatccgc acaacatcga	21840
	ggacggcage gtgcagctg ccgaccacta ccagcagaac accccatcg ggcacggccc	21900
	cgtgctgtc cccgacaacc actacatgg caccctgacc gcccctgagca aagaccccaa	21960
	cgagaagegc gatcacatgg tcctgtgga gttcgtgacc ggcggcggga tcactctcgg	22020
	catggacgag ctgtacaagt aactgactaa aagttgtcg agaagtacta gaggatcata	22080
	atcagecata ccacatttg agagtttta ctgtttttaaaa acacccccc acacccccc	22140
	ctgaacctga aacataaaat gaatgcaatt gttgtgtta acttggtttat tgcaagtttat	22200
	aatggttaca aataaaagcaa tagcatcaca aatccacaa ataaagcatt tttttcaactg	22260
	cattctatgtt gtggtttgc caaactcate aatgtatctt atcatgtctg gatctgtatca	22320
	ctgttttgc cttaggatc cgaaccatgc aagtggaaatc tagttccaaa ctatccatgtc	22380
	atttttttaatt ttctgtttag cttagcgc tacacccagt tcccatatat tttgtcaactc	22440
	ttccctaaat aatccctaaa aactccattt ccacccctcc cagttcccaa ctatccatgtc	22500
	cgcacccacage gggcatttt tcttcctgtt atgtttttaa tcaaacatcc tgccaaactcc	22560
	atgtgacaaa ccgtcatctt cggtactttt	22590

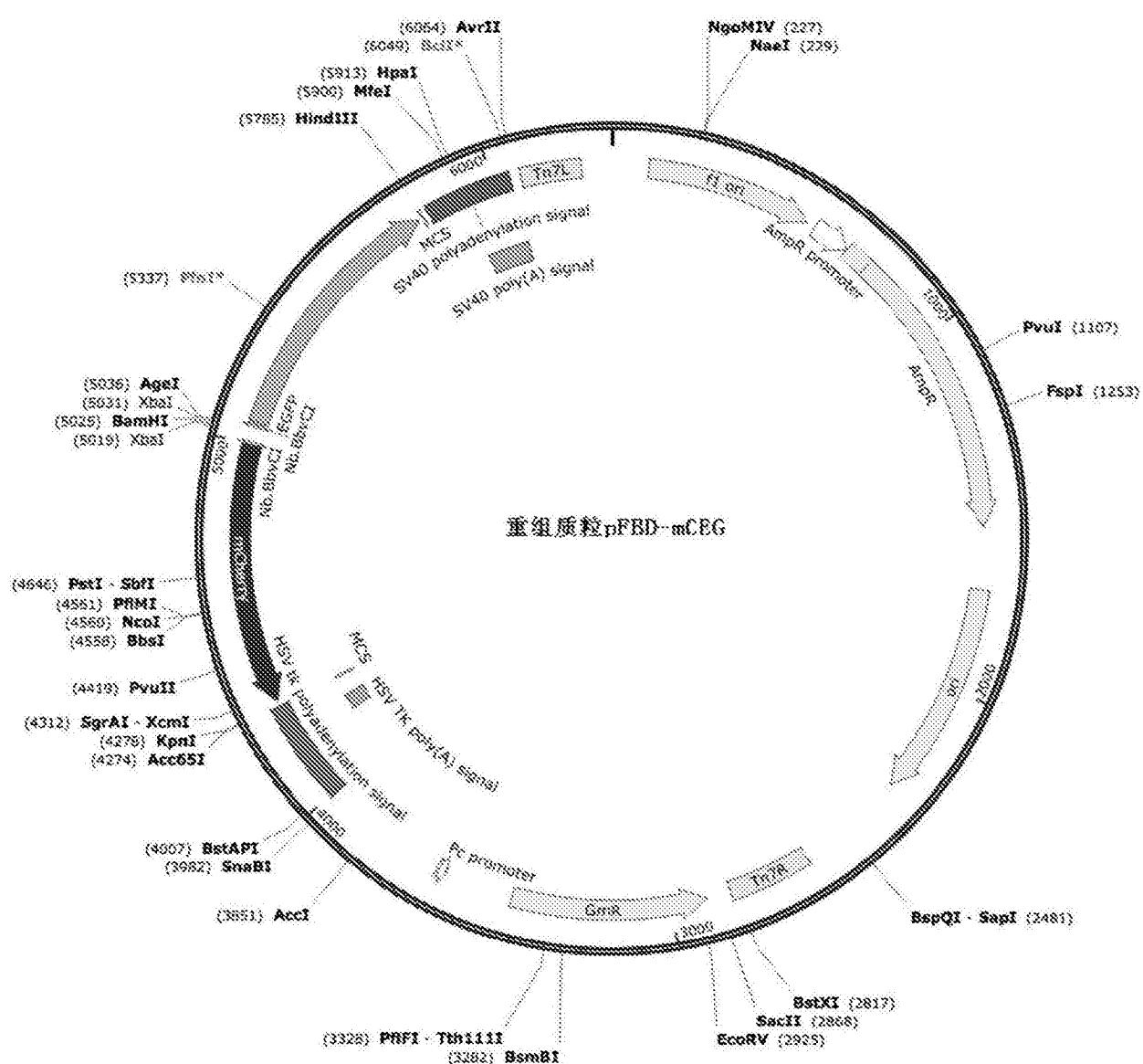


图 1

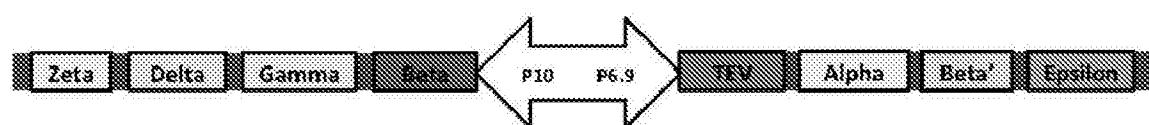


图 2

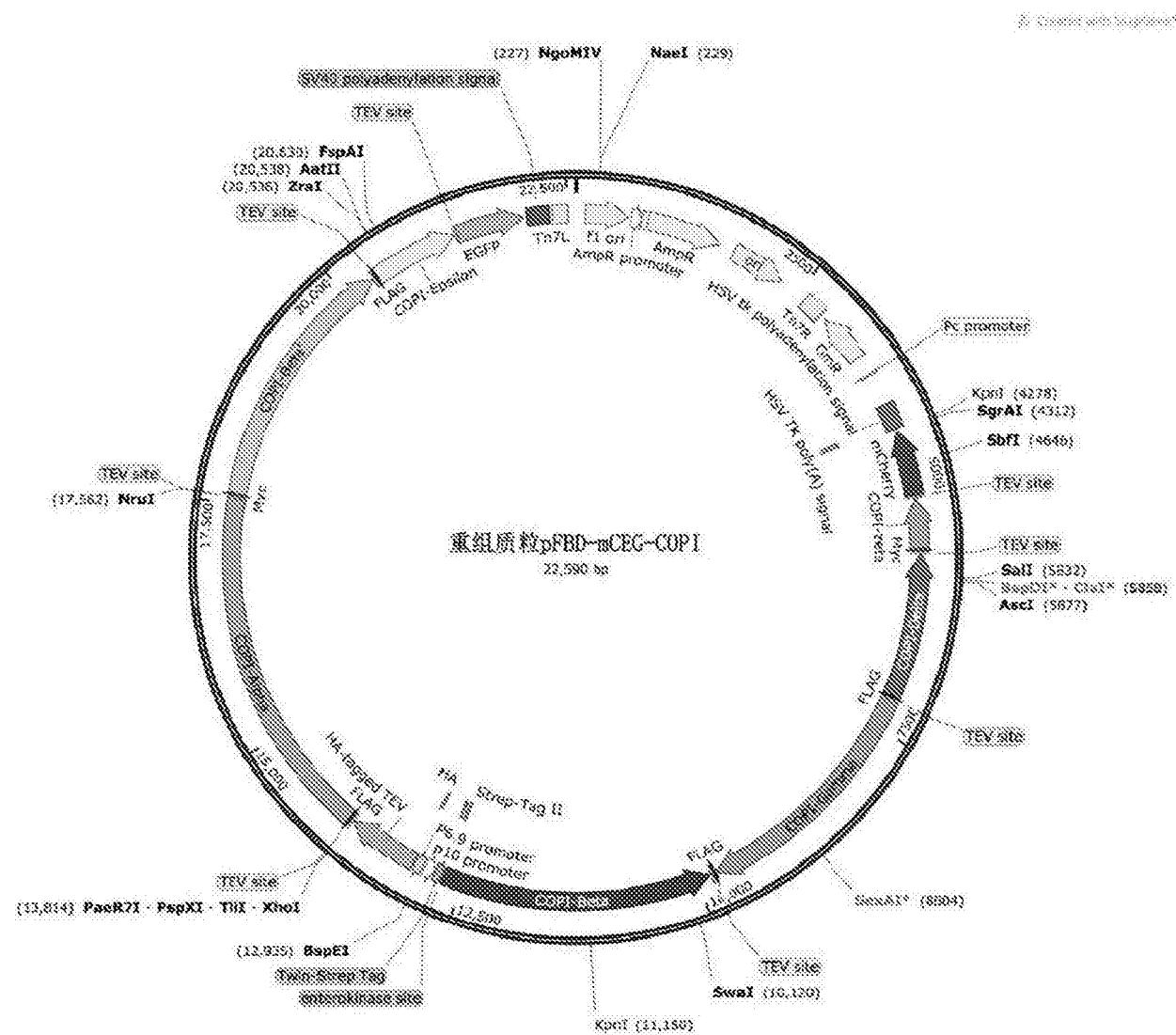


图3

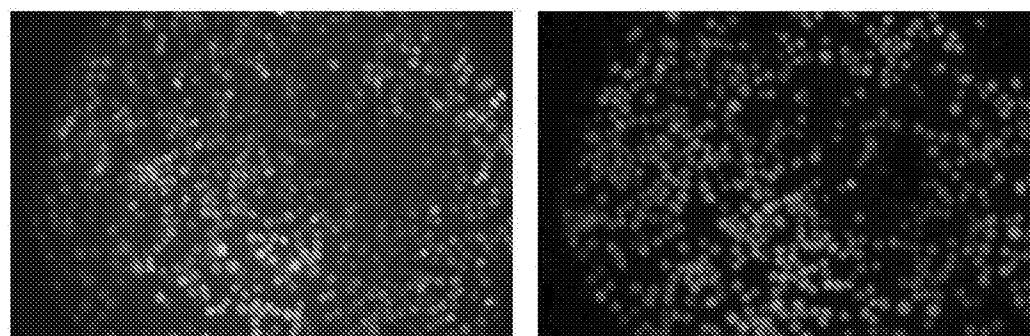


图4

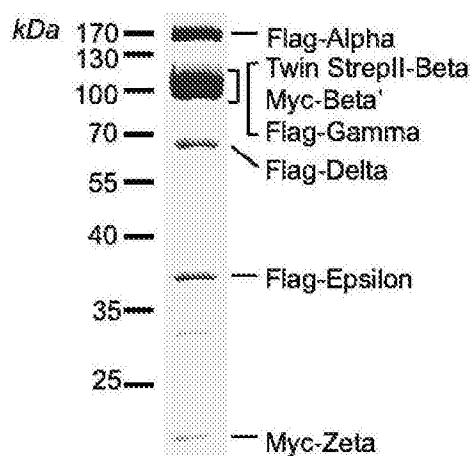


图5

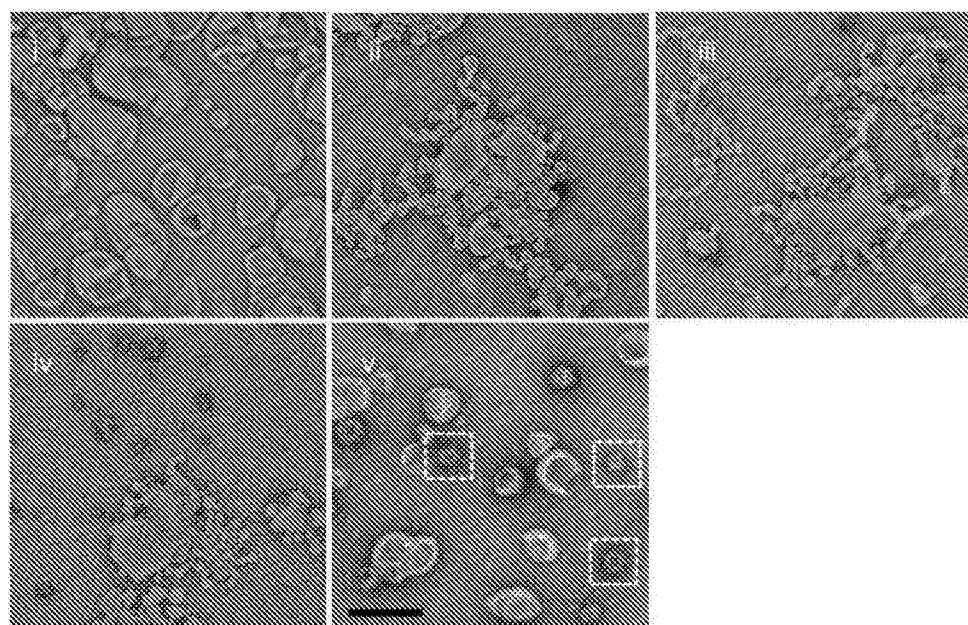


图6